

Dr. Aibibula PAIZILA
Çukurova Üniversitesi
İmamoğlu Meslek Yüksekokulu
Cep: (553) 3774371
E-mail: aibibulapaizila@gmail.com

KİŞİSEL BİLGİLER

Cinsiyet : Erkek
Doğum Tarihi : 01/12/1988
Medeni Durum : Evli
Uyruk : Çin
Çalışan Kurum : Çukurova Üniversitesi İmamoğlu Meslek Yüksekokulu Laboratuvar Teknolojisi Öğretim Görevlisi (Dr)

1.EĞİTİM BİLGİLERİ

1.1. Lisans	Nanjing Üniversitesi Biyoteknoloji Bölümü	2007 – 2012
1.2. Yüksek Lisans	Çukurova Üniversitesi Biyoteknoloji Anabilim Dalı	2012 – 2016
1.3. Doktora	Çukurova Üniversitesi Biyoteknoloji Anabilim Dalı	2016 – 2020

2.YABANCI DİL BİLGİSİ

Uygurca Ana dil
Çince Ana dil seviyesinde
2.1. Türkçe Okuma: Çok iyi, Yazma: iyi, Konuşma: Çok İyi (C1)
2.2. İngilizce Okuma: Çok iyi, Yazma: Çok iyi, Konuşma: İyi (YÖK Dil – 95)

3.TEZLER

3.1.Yüksek Lisans Tez Konusu:

"Bademde 'Gülcan-2 X Laurant' ve 'Guara X Nurlu' F1 Populasyonları Kullanılarak SSR Markörleri ile Genetik Harita Oluşturulması".

3.2. Doktora Tez Konusu:

"Bademde Yüksek Yoğunlukta Genetik Haritanın Oluşturulması ve QTL Analizi".

4.PROJELER

- 4.1. "Bademde Kendine Verimli ve Geç Çiçeklenen Çeşit Islahı: Islah Süresini Kısaltmak Üzere DNA Markörlerin Geliştirilmesi", Diğer Kamu Kuruluşlarınca Desteklenen, TAGEM/14/ARGE/01, Araştırmacı, 2017.
- 4.2. "Modifying plants to produce interfering RNA", AB Destekli Diğer Projeler, FUA-2016-6969, Araştırmacı, Devam Ediyor.
- 4.3. "Ceviz genetik kaynaklarının SNP markörleri ile karakterizasyonu", BAP Diğer, FBA-2018-10054, Araştırmacı, 2018.
- 4.4. "Bademde Yüksek Yoğunlukta Genetik Harita Oluşturulması ve QTL Analizleri", FDK-2018-10486, Doktora, Devam Ediyor.
- 4.5. "Bademde Gülcan2 x Laurant ve Guara x Nurlu F1 Populasyonları Kullanılarak SSR Markörleri ile Genetik Haritalaması", BAP FYL-2015-3640, 2016.

5.YAYINLAR

- 5.1. H. Karcı, **A. Paizila**, H. Topçu, E. İlikçioğlu, S. Kafkas. Transcriptome sequencing and development of novel genic SSR markers from *Pistacia vera* L. *Frontiers in Genetics* (2020) 11:1021.
- 5.2. Ş. B. Bükücü, M. Sütyemez, S. Kefayati, **A. Paizila**, A. Jighly, S. Kafkas. Major QTL with pleiotropic effects controlling time of leaf budburst and flowering-related traits in walnut (*Juglans regia* L.). *Scientific reports* (2020) 10:15207.
- 5.3. S. Kefayati, A. Surya Ikhsan, M. Sutyemez, **A. Paizila**, H. Topçu, Ş. Burak Bükücü, S. Kafkas. First simple sequence repeat-based genetic linkage map reveals a major QTL for leafing time in walnut (*Juglans regia* L.). *Tree Genetics & Genomes* (2019) 15:13.
- 5.4. **A. Paizila**, S. Kafkas, E.Z. Motalebipour, I. Acar, N. Turemis. (2019). Construction of an almond genetic linkage map using F1 population 'Gulcan-2' x 'Lauranne' by SSR markers. *Acta Horticulturae* (Baskıda).
- 5.5. **A. Paizila**, S. Kafkas, K. Ercik, N.E. Kafkas, E.Z. Motalebipour, I. Acar, N. Turemis. (2017). QTL mapping for flower characters using 'Guara' x 'Nurlu' F 1 population in almond. *Acta Horticulturae*. 10.17660/ActaHortic.2018.1219.9.
- 5.6. S. Kafkas, H. Gozel, H. Karcı, H. Bozkurt, **A. Paizila**, H. Topçu, N. Coban, S. Kefayati, Md.R. Islam, M. Zhaanbaev, N.E. Kafkas, İ. Açar, M. Uzun. Marker-assisted cultivar breeding in pistachio. VII International Symposium on Almonds and Pistachios.
- 5.7. **A. Paizila**, S. Kafkas, H. Karcı. (2018). Simple Sequence Repeat Markers: Are they still useful. I International Mersin Symposium.
- 5.8. **A. Paizila**, S. Kafkas, M. Guney. (2018). Cultivar Breeding Objectives and Achievements in Almond. I International Mersin Symposium.
- 5.9. **A. Paizila**, M. Guney, S. Kafkas. (2018). Development and Uses of SSR Markers in Walnut. I International Mersin Symposium.
- 5.10. S. Kafkas, **A. Paizila**, H. Topçu, S. Kefayati, M.D. Islam, M. Zhaanbaev. (2017). Use of molecular markers in plants for cultivar identification. The Eurasian Agricultural and Natural Sciences Congress.
- 5.11. S.Kafkas, R. Michelmore, H. Tang, R. Ming, R. Navajas-Pérez, J. Wai, W. Palmer, H. Ozkan, X. Zhang, C. del Val, X. Min, Zh. Liao, E. Jaczygrad, M. Al Rwahnih, D. Golino, J. Preece, X. Zhang, F. Robles, R. Herrán, **A. Paizila**, M. Zhaanbaev. (2017). Pistachio genome sequencing and assembly. VII International Symposium on Almonds and Pistachios.

6.KATILDIĞI SEMPOZYUMLAR

- | | |
|---|------|
| 6.1. New Approaches in Apple and Cherry Growing and Breeding Techniques | 2014 |
| 6.2. International Congress of Health and Environment | 2017 |
| 6.3. I International Mersin Symposium | 2018 |

7.ÖDÜLLER & BURSLAR

- | | |
|---|-------------|
| 7.1. Türkiye burslar | 2012 - 2016 |
| 7.2. 2016 başarılı yabancı mezunu ödülü | 2016 |
| 7.3. TÜBİTAK Projesi Bursyeri | 2018-2020 |

8.KURS / SERTİFİKA BİLGİLERİ

- | | | |
|---------------------------------------|---------------------------------------|--------------------------|
| 8.1. RNA-Seq Bioinformatik analizleri | Adam Mickiewicz Üniversitesi, Polonya | 2019 Şubat – 2019 Temmuz |
|---------------------------------------|---------------------------------------|--------------------------|

BİLGİSAYAR BİLGİSİ/Analiz Paket programları

GeneMapper v4.0 (ABI), JoinMap v 4.1, MapQTL6, Mapchart 2.2, Blast2GO, Structure v2.3.4, NTSYSpc v2.21b, Linux, Phytion.

Laboratuvar Teknikleri

DNA ve RNA izolasyonu, Polimeraz Zincir Reaksiyonu (PCR), Farklı DNA markör teknikler (SSR, ISSR, SCAR, CAPS, AFLP, SNP), Agaroz ve Kapiler Elektroferezleri (ABI 3130xl), Primer geliştirme, Genetik haritalama ve QTL analizleri, Gen Ekspresyon Analileri, Yeni Nesil Sekanslama Bioinformatik Analizleri.